

FIG. 1

gcttcctccc taggcgtgag actccggctc cttcact atg aga ctt cta gcc ctt 55
Met Arg Leu Leu Ala Leu
1 5

tcc ggt ctg ctc tgc atg ctg ctc ctc tgt ttc tgc att ttc tcc tca 103
Ser Gly Leu Leu Cys Met Leu Leu Leu Cys Phe Cys Ile Phe Ser Ser
10 15 20

gaa ggg aga aga cat cct gcc aag tcc ttg aaa ctc agg cgc tgc tgt 151
Glu Gly Arg Arg His Pro Ala Lys Ser Leu Lys Leu Arg Arg Cys Cys
25 30 35

cac cta tct cct aga tcc aag ctg aca acc tgg aaa gga aac cac aca 199
His Leu Ser Pro Arg Ser Lys Leu Thr Thr Trp Lys Gly Asn His Thr
40 45 50

agg ccc tgc aga ctc tgc aga aac aag cta cca gtc aag tca tgg gtg 247
Arg Pro Cys Arg Leu Cys Arg Asn Lys Leu Pro Val Lys Ser Trp Val
55 60 65 70

gtg cct ggg gct ctc cca cag ata tag ggctcctccc gccagatga 294
Val Pro Gly Ala Leu Pro Gln Ile
75

agcgttgatg cccagatgtg gagacaccag aagcatacac actatgttgc cttgccccctt 354

gccaatgagc tgtgacactg gaatgcttca cttcagacat cagggcggat ggattgcaga 414

attccaagtc ctcatccaa aggtgtcacc aaccttcaga gtcactaagg tccagggtca 474

gccacaagt caccatggct cctccagagt aaaagtccaa gattccacct gtgggagcta 534

cagatccaga gactttcaag ctgactagag tgcagagaag caagacctca gtgtgatcag 594

ccgagactac agcatcttgg gaacctcag tcagcccca acccctaaca cttaaccact 654

ggctctccaaa ccaacacctg taacttcta atgaaatcat caggaggata ccaaaagaaa 714

taaaccataa atcagcatac aactaaaaa 744

09724000 12300

2025-01-24

Met Arg Leu Leu Val Leu Ser Ser
1 5

FIG. 3

rat Secs-1	1	MRLTLGLF	FMLFLCLCVL	SSEGRKRP	AK F...	PKLRPR	CHLSPRSKPI	50
murine Secs-1		MRLALGLL	CMLLLCF	CF S...	LKLRR	CHLSPRSKLT		
human Secs-1		MRLVLSSL	CILLCF	SIF	STEGRRRPAK	AWSGRRTRLC	CHRVSPNST	
rat Secs-1	51	TWKGNHTRPC	RPCR.KLESN	SWVVP	GALPQ	I		
murine Secs-1		TWKGNHTRPC	RLCRNKLPVK	SWVVP	GALPQ	I		
human Secs-1		NLKGHHVRLC	KPCKLEPEPR	LWVVP	GALPQ	V		

0524000 11 0000

0
446 ATGAGGCTTCTAGTCCTTTCCAGCCTGCTCTGTATCCTGCTTCTCTGCTTCTCCATCTTC
:
1 M R L L V L S S L L C I L L L C F S I F

60 . : . : . : . : . :
506 TCCACAGAAGGTAGGGCAGCCCCAGGGTGCGATCCCTGAGCAGGATTTCAGCATCTGG
:
21 S T E

120 . : . : . : . : . :
566 GAAGACTCTGATCAGGATTTGTTGGAGGGCAGGCCTTGGNNNNNNNNNCGCGCGTACTT

180 . : . : . : . : . :
626 CCAGCCCCGTGGTGAAGACGAAAGAGGGCTCTTCTCCTGAACCTATAGGTTTGGGGCTC

240 . : . : . : . : . :
686 AGGACTGCCTGCAGGTGGCTTGGGGGTTCATTACAGCCCCTGCACCCCCAAATACATA

300 . : . : . : . : . :
746 CCCAGCCTAAGTAAAGTGGTGTGTTGCCATGCAAACACACATACAACCTCTCAGCTAGA

360 . : . : . : . : . :
806 TTACTGTGCTTAAGTCCTACCTATCTAGAATTTCTGGAGCCATTCTCTTGTACTTGTGTC

420 . : . : . : . : . :
866 ATGCTTGGAACAGAGTAAATTAGTGTGGGCAAAATGAATACATTAATTAGTAGACCATCT

480 . : . : . : . : . :
926 AAGTCTGAACATCCCCAAACCTCATGCCAGAAAATATCCATGAGCAGCTGAAATGAAGG

540 . : . : . : . : . :
986 TGTGTGTGGTAGGGAGGTGGGGTATGTTTATGCATGTTTAGAAGGGGACACCATCTTTTT

600 . : . : . : . : . :
1046 ACCTCTATAGATATGAATATTTAGCTCTCTTGCCCTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTT

660 . : . : . : . : . :
1106 TTTTTTGAGATGGAGTCTTGCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCGAGTGGCGCTATCTCAGC

720 . : . : . : . : . :
1166 TCACTGCAATCTCCGCTCCTGGGTTCAGCAATTCTCTGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCT

FIG. 4B

```

780      .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1226 GAGATTACAGGTGCCCACCACCAAGCCCAGCTAATTTTGTATTTTAGTACAGACAGGT
-----

840      .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1286 TTCACCATCTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTAACCTCGTAATCCTCCCACCTCGGCC
-----

900      .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1346 TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCATGCCTGGCTGCCTTTTCTTGATTGATCAG
-----

960      .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1406 ATAGCTGAGTGTTTCAATCCATTTTCTCTTGTCTAACCTCTAGAACTGCCTACATTT
-----

1020     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1466 ATTTTGTGTTTGTAGTGGTTATGGTTACTCAAACCTTTTGGGTGGGGGGAGCTGGAGCTATA
-----

1080     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1526 GAAATATATAAAGAGAAGAAAAACACTCAATTCCATGATTCAAGAGTAGCCATGTTCAAC
-----

1140     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1586 ATTTTGTGTTATTTCCCTTGCATGTAGAATTTTAAAAATTAATTGATGTACCTATATGTTC
-----

1200     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1646 AAGGTTATATCTTTTTTATTTATCACTATATATATTGTTATAATCACCCAAAATGCTTAT
-----

1260     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1706 GATTGAAGATATTCTGGAAGCATTTACAACCCAGTGTCAGCAGCAGCCATCTCTGAGTAG
-----

1320     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1766 TGGGATTATAACAAGTGTTTGTGTTTACAAAGTTTCTGCGATGAAAATGTCCCACATATAT
-----

1380     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1826 AATAAGGAAAACAGTGATTAGAATTCCTCATAAACACAGCCCGTGACATGCAATTTATCA
-----

1440     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1886 GACCTCTATTTTGGACATGTTGGAGGTTGCCAGTGATACCCTAGTGACAATTAAATGAG
-----

1500     .      :      .      :      .      :      .      :      .      :
1946 GATAGATACCTTCCCCCATAAAGTTTCCTATCCATTTAGGACTATCTGTAGCAAACCTCTT
-----

```

003221" 00042450

FIG. 4C

```

1560 . . . . . : . . . . . :
2006 GAAGTAGCATTAAATCAACTAATATTTTCAGGTATAACTTGCTACAAGTGAACGTACTATG
-----

1620 . . . . . : . . . . . :
2066 ATGAATTTACATGCTTAGACATTTAGATAGTTCACAATTGTGTGCTTTTCCTTTTTTGAA
-----

1680 . . . . . : . . . . . :
2126 GCAAGATCTTGCTCTCTTGCCCAGGTCGGAGTGCAGTGGCATGACCACGGCTCAGTGCAG
-----

1740 . . . . . : . . . . . :
2186 GCTTGACTTCCAGGGCTCAAGCAATACTCGCACCTCAGGTTTTCCAGTAGCTGGGAAAAC
-----

1800 . . . . . : . . . . . :
2246 AGGTGCGCACCACAATGCCCTGCTAATTTTTTAAATTTTTTGCAGAGACGAGGTCTCTCT
-----

1860 . . . . . : . . . . . :
2306 AAGTTGCCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGGACTCAAGCCATCCTCCCACCTTGGCCTCCC
-----

1920 . . . . . : . . . . . :
2366 AGAGTGCTAGGATCACAGGCATGAGCCACCACACCTGGCCTACTTTGCACATTTTAATTA
-----

1980 . . . . . : . . . . . :
2426 TGTGGTAAAAGGTATATATGTACATAAAGTATGTCCTTTATTTCAGGCTTTTTTCTTTTT
-----

2040 . . . . . : . . . . . :
2486 TTCTTTTTTTTTATTTTTTTTGAGACGAAGTTTTTGCTCTTGTTGTCCAGGCTGGAGTGTA
-----

2100 . . . . . : . . . . . :
2546 TGGCATGCTCTTGGCTCACCACAACCTCCGCCTCCCGGGTTCAAGTGATTCTCCTGCCTC
-----

2160 . . . . . : . . . . . :
2606 AACCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCATGCACCAACATGCCAGGCTGATTTTGTATTT
-----

2220 . . . . . : . . . . . :
2666 TTAGTAGAGATGGGGTTTCTCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACACTCGACCTCAAGT
-----

2280 . . . . . : . . . . . :
2726 GATCCGCCCACCTCAGCCTCCCAAAGAGCTAGGATTACAGGCATGAGCCACCACACCCAG
-----

```

003211" 0004260

FIG. 4D

```

2340 . . . . . :
2786 CTCAGGGCTTATTTTCTTAGGCTAGATTGCCAAGGGGAGAATTATTATGTCAAAGAACT
-----

2400 . . . . . :
2846 ACTTATTGGACAGGAATCTGAAAAGGATGTGTTTTGGGGCCATGTGTCTCCCAACATTGT
-----

2460 . . . . . :
2906 TATTTCTGAAAAGTAAATCACAACAAGGCCCACTCTTTCCCTAGGACCTCTCGTAGCCTG
-----

2520 . . . . . :
2966 GCTCATCCTGAGTTTCTCTGGATAAAATATTCCTGAGCCCTGTGCCTTGGAAGGGGAAGCT
-----

2580 . . . . . :
3026 CACTCACAGACAAGCCCACTAAAGACAGTCTCTCTTCTTGTGTCCACCCCTCAGGGAAG
-----
                                     . . . .
25                                     G K

2640 . . . . . :
3086 AGGCGTCCTGCCAAGGCCTGGTCAGGCAGGAGAACCAGGCTCTGCTGCCACCGAGTCCCT
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
26 R R P A K A W S G R R T R L C C H R V P

2700 . . . . . :
3146 AGCCCCAACTCAACAAACCTGAAAAGGTAAGTACCCCCACCTCGTCCAGACTGTGGGGCAG
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
46 S P N S T N L K

2760 . . . . . :
3206 AAGTTCTACAGTGGCCATGGGACCAGCCACACACACTGATCAGCCCCACCCATGGCTGG
-----

2820 . . . . . :
3266 CATCAGGCTCTGGCTGGGAGGACATCTTTGTTTTGTTGATTAATTTGTTGACTCCCCCCC
-----

2880 . . . . . :
3326 AAAAGTCAACAAATTAATCATTTTAAACTGAATACATTCTGCCATGGAAAAAAGCAGGA
-----

2940 . . . . . :
3386 TGCAATTAGCAGATGTTGTGTGGAAACACACTTACTTTAGGTGGAAGGTGTCTGAGCAGG
-----

3000 . . . . . :
3446 TGACATTTATGAGACCTGGCTCATTTATGAGCCAGGAGCCTGGCTGAGGCCTGTGGAGGT
-----

```

002211" 00042260

0924000 112800

3060 . : . : . : . : . : . :
3506 GGGGCATGCAGGCAGAGGAGGCAGCAAGGGTGAAGGGCAAGAGTGGGGTATGGAAGACAG

3120 . : . : . : . : . : . :
3566 ATGGTAGCAGGGCTTGAGAGGTACTCCCAGAAGCTAAGGACCAAAGCTGCCTGTGAACCC

3180 . : . : . : . : . : . :
3626 TGTGGACCTGGGGCACAGATCAGCATGCAGGTCACCAGCAGGGGAGTGGGCCTGAGGGTC

3240 . : . : . : . : . : . :
3686 CAGAGAGCCATAGCTTGGCAGGAGATAAGGCAGCCCCAGAGATGCCAGCAGGCAGCATCC

3300 . : . : . : . : . : . :
3746 AGGCTGCATGACCAGAACGAGGCCCAGAAGAGCAAGGCTGCCCTCTCCCTGAGGCCTGGG

3360 . : . : . : . : . : . :
3806 GACACTGGGAGGCCTGTGGCGGACAGGCCCAAGCTCAGGAGGGCTGCGGGCACCCAGTTC

3420 . : . : . : . : . : . :
3866 CCTGCACAGGGGCTGCAGGCCCAGAGCAGATATTCACTGGAGTTGCCAGCCCAGGTGGA

3480 . : . : . : . : . : . :
3926 AGGGTCAGGCTGCTGGAGCTTGGGTAGGGCAGGCAGATCCCCAAGGGGAGACTGTGGACC

3540 . : . : . : . : . : . :
3986 CTGAGTCAGACAGCCTGACACCAACCTGGGGCTCCTGCCTGAACTCTGCAGCCCCAGTGC

3600 . : . : . : . : . : . :
4046 CCACTCTCAAGAGGCTGAGGAGGTCCCGGCCCCACTTGCTCCTCTGCGGCCATGGCCCAT

3660 . : . : . : . : . : . :
4106 GGGGTCCATGACCAGCGCCGAGCCTCCATGCCTTTCCAGCTACCAAGGGGATGCTCAG

3720 . : . : . : . : . : . :
4166 CTGTGATGCAGGAGAGGGATAGAGGGAGGAAGCAAGACAGCATGACTCCAGCCGCAGACC

3780 . : . : . : . : . : . :
4226 TTCTCCCGGAGATGCTGACAGCCCTTTCTTCCAAACTGGGCATCACACCCAGCCGGCCAGG

092400 312000

```

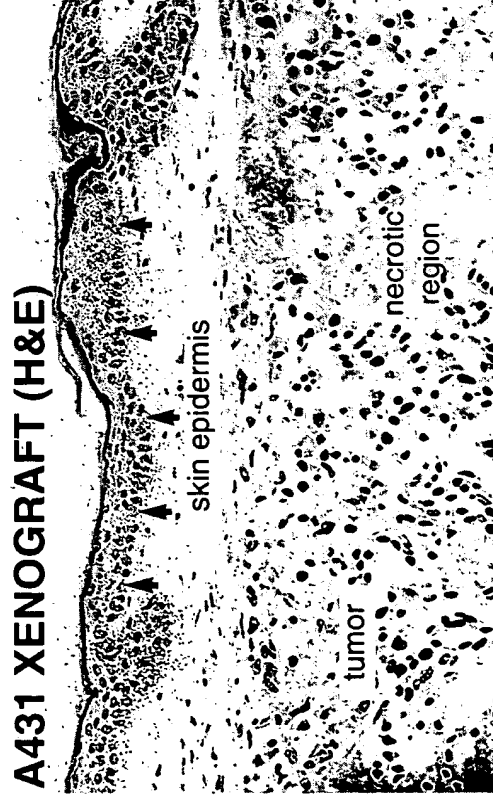
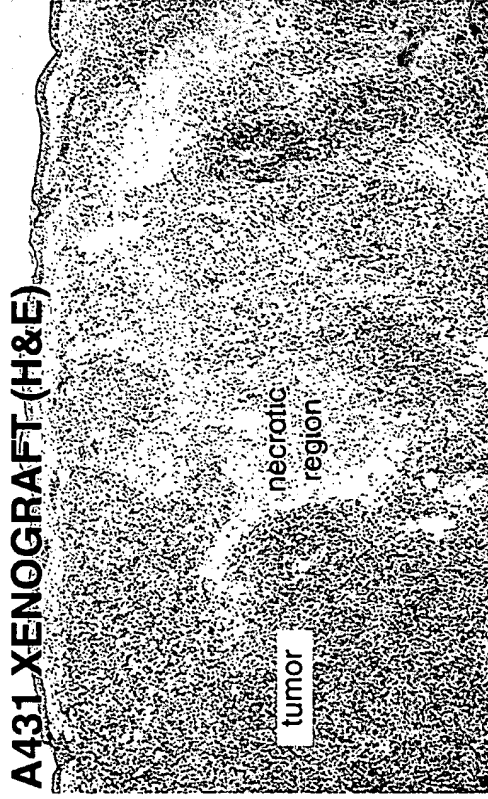
3840      .       :       .       :       .       :       .       :       .       :
4286 ATAAAAATAACCAGCTCGTCTTCACCACGGGCTGAAGGATCCCNNNNNNNNNNNCACGAAA
-----
3900      .       :       .       :       .       :       .       :       .       :
4346 AGCCCCCTTCTGGGCCTCCAGGGAAAAGCATAAGATCTAATTCTTGCTTTGAAATTTTTTTT
-----
3960      .       :       .       :       .       :       .       :       .       :
4406 TTAAATGTGTTTGAAAATGCAACTTAATTGTGTTTTCCTCTCTCTCCCCACAACCTGGCT
-----
4020      .       :       .       :       .       :       .       :       .       :
4466 CTGACCTCGCCATCTTCCTGTCTTGTCCTCTTGCTCTACTCATTGCTCCTCCCAGGACA
-----
55                                     . . . :
                                           G H

4080      .       :       .       :       .       :       .       :       .       :
4526 TCATGTGAGGCTCTGTAAACCATGCAAGCTTGAGCCAGAGCCCCGCCTTTGGGTGGTGGC
::::::::::
56   H V R L C K P C K L E P E P R L W V V P

4140      .       :       .
4586 TGGGGCACTCCACAGGTG
::::::::::
76   G A L P Q V

```

FIG. 5

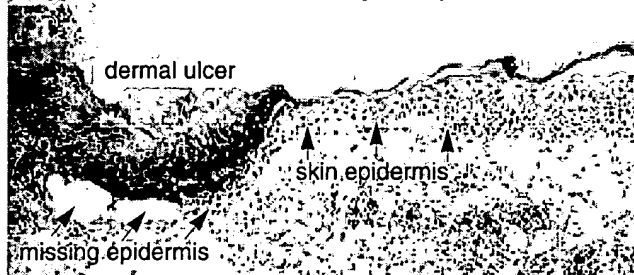


Research in the Field

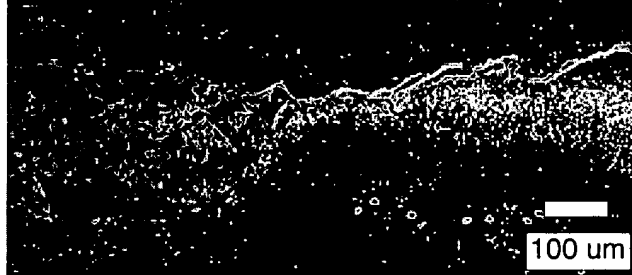


FIG. 7

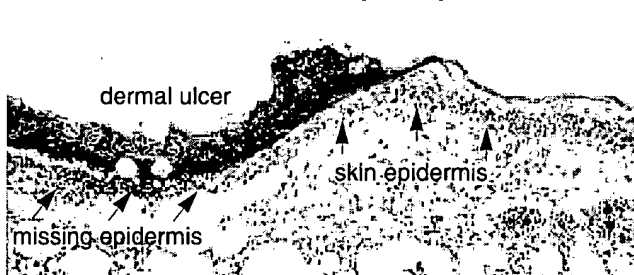
DAY 3 POST WOUND (H&E)



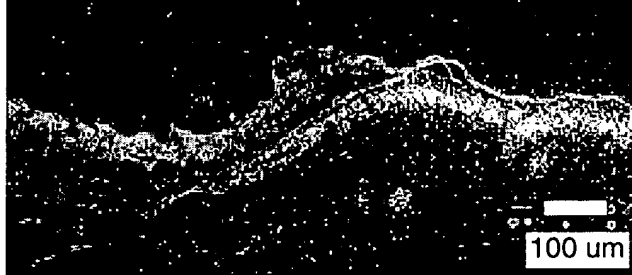
muSmac2-ISH



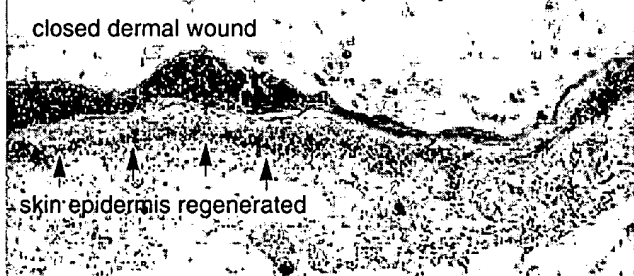
DAY 4 POST WOUND (H&E)



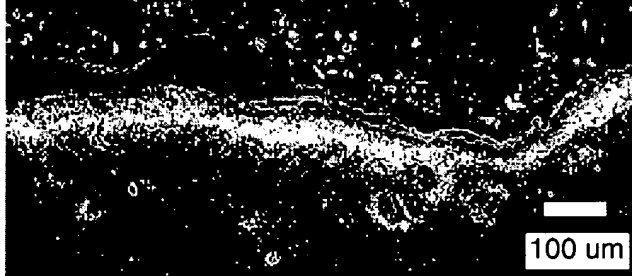
muSmac2-ISH



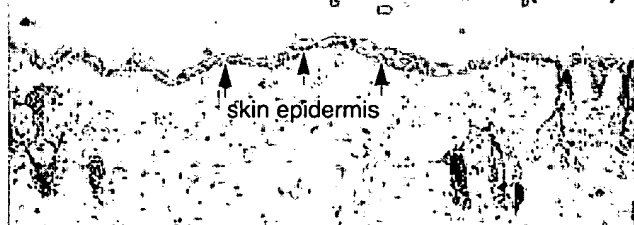
DAY 8 POST WOUND (H&E)



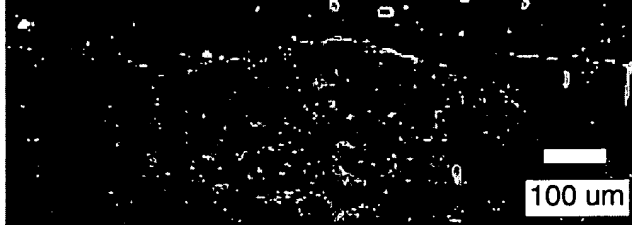
muSmac2-ISH



PSORIASIS MODEL - CONTROL (H&E)



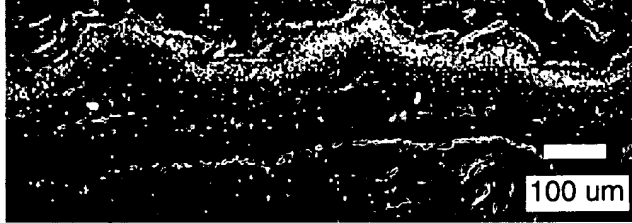
muSmac2-ISH



PSORIASIS MODEL (H&E)



muSmac2-ISH



09724000-112800